



## SEQUENCE LISTING

<100> Drmanac, Radoje

<120> METHODS AND COMPOSITIONS FOR EFFICIENT NUCLEIC ACID SEQUENCING

<130> 27373/36067

<140> 09/272,232

<141> 1999-03-18

<150> US 08/303,058

<151> 1994-09-08

<150> US 08/127,420

<151> 1993-09-27

<160> 10

<170> PatentIn version 3.1

<210> 1

<211> 12

<212> DNA

<213> Artificial sequence

<220>

<223> Primer

<400> 1

aaaaaatttt tt

12

<210> 2

<211> 13

<212> DNA

<213> Artificial sequence

<220>

<223> Primer

<400> 2

aaaaaatttt ttc

13

<210> 3

<211> 12

<212> DNA

<213> Artificial sequence

<220>

<223> Primer

<400> 3  
aaaaattttt ta 12

<210> 4  
<211> 12  
<212> DNA  
<213> Artificial sequence

<220>  
<223> Primer

<400> 4  
aaaaattttt tt 12

<210> 5  
<211> 12  
<212> DNA  
<213> Artificial sequence

<220>  
<223> Primer

<400> 5  
aaaaattttt tc 12

<210> 6  
<211> 12  
<212> DNA  
<213> Artificial sequence

<220>  
<223> Primer

<400> 6  
aaaaattttt tg 12

<210> 7  
<211> 12  
<212> DNA  
<213> Artificial sequence

<220>  
<223> Primer

<400> 7  
taaaaatttt tt 12

<210> 8  
<211> 12  
<212> DNA  
<213> Artificial sequence

<220>  
<223> Primer

<400> 8  
caaaaatttt tt 12

<210> 9  
<211> 12  
<212> DNA  
<213> Artificial sequence

<220>  
<223> Primer

<400> 9  
gaaaaatttt tt

12

<210> 10  
<211> 11  
<212> DNA  
<213> Artificial sequence

<220>  
<223> Primer

<400> 10  
aaaaaat t

11